



生物信息组 pFind 团队

招生简介



中国科学院计算技术研究所（简称计算所，网址为 www.ict.ac.cn）创建于 1956 年，是我国第一个专门从事计算机科学技术综合性研究的学术机构。计算所研制成功了我国第一台通用数字电子计算机，并形成了我国高性能计算机的研发基地，我国首枚通用 CPU 芯片也诞生在这里。计算所是我国计算机事业的摇篮。

生物信息学主要是一门计算机科学与生物学的交叉学科，它被认为是本世纪计算机科学中最具有发展潜力的交叉学科之一。生物信息学教研组综合应用算法学、统计学、模式识别、机器学习或数据挖掘等信息处理技术和方法，从计算的角度研究并解决生物或医学领域中大规模数据的信息处理问题，并开发相应的应用软件系统作为生物学家的工具推广应用，这充分体现了计算机科学与生物学的有机结合，它是前瞻研究实验室一个新兴的前沿交叉学科，定位原则为以创新研究为主，研究成果推向具体实际应用，同时促进本所高性能计算的应用研究。

pFind 团队致力于应用生物质谱技术进行蛋白质鉴定和定量算法研究及应用软件开发两个方面的工作，承担的主要课题包括国家 973 课题、863 课题、中科院重大课题，国家重大专项课题等。团队的标志性成果，是我国第一个具有完全自主知识产权和国际竞争力的蛋白质鉴定软件 pFind Studio，目前已经在国内外注册下载 8,000 余套，遍及六大洲的数十个国家，并助力同行完成了 400 余项科研成果。团队在 *Nature Biotechnology*, *Nature Methods* 等国际著名期刊上发表多篇论文，不断获得国际同行的正面评价和引用。团队研究成果入选 2018 年度中国生物信息学十大进展，主要成员于 2019 年获得中国计算机学会技术发明一等奖（年度唯一获奖团队）。

课题组欢迎具有扎实的大学本科理论方法基础（数据结构、算法学、统计学、模式识别等）和熟练的编程实践能力，并对生物信息学具有浓厚兴趣的计算机或相关专业的优秀学生报考或推免硕士研究生，硕博连读生或博士研究生，具体要求可参见计算所主页上端位置“研究生教育”栏目内的“招生专

栏”和“导师介绍”两项内容，或咨询我们。关于研究组的详细介绍，请参见 <http://pfind.ict.ac.cn>

欢迎具有报考和进一步咨询意向者电子邮件联系招生导师：

贺思敏： smhe@ict.ac.cn 迟浩： chihao@ict.ac.cn

(2021年4月13日更新)